

La domestication des plantes, ou encore Peut-on tirer des leçons du passé pour domestiquer les plantes de demain ?

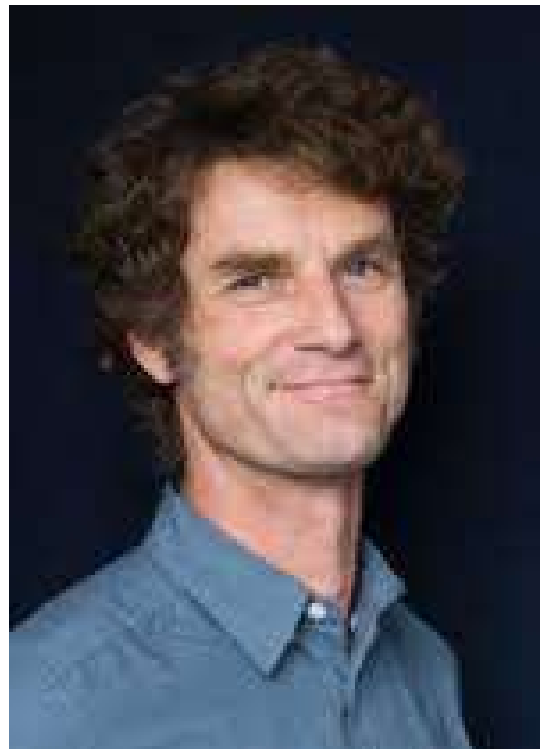
Les plantes que nous consommons ont été profondément modifiées par 10 000 ans d'agriculture. Nous avons changé leurs caractéristiques pour les adapter à nos besoins.

Aujourd'hui, les progrès de la Science nous révèlent les changements qui ont eu lieu au cœur du génome des plantes, expliquant ainsi ce que les hommes ont fait de manière inconsciente. Par ailleurs, les avancées de la technologie nous fournissent des outils pour modifier les plantes de façon plus rapide, plus précise.

Ces technologies peuvent-elles être utilisées pour une agriculture mieux adaptée au monde d'aujourd'hui (plus respectueuse de l'environnement et capable de faire face au dérèglement climatique) ?

La présentation survolera l'histoire de la domestication végétale sous différents angles pour soulever certaines questions d'actualité.

Cette conférence sera donnée par Monsieur **François PARCY**, Directeur de Recherche au Laboratoire de Physiologie Cellulaire et Végétale (LPCV) à Grenoble



Après ses études à l'Ecole Polytechnique, François PARCY a obtenu un Doctorat en Biologie des Fleurs à Paris XI.

Après un post-doc en Californie (USA), il rejoint le CNRS.

Il effectuera encore des études en année sabbatique à l'Université de Valence (Espagne) et à l'Université de Vancouver (Canada).

Il est nommé Directeur de Recherche de 1^{ere} classe en 2015.

Il reçoit le « Grand Prix Thématique (Gautheret) » de l'Académie des Sciences de France en 2020 et la Médaille d'Argent du CNRS en 2022.

Il est également Président d'un Comité de Recrutement du CNRS.

Il a écrit de nombreux ouvrages



Il est responsable de l'équipe « **Floral Regulators** » au LPCV :



« Nous étudions le développement des fleurs au niveau moléculaire en se focalisant sur les régulations transcriptionnelles et épigénétiques qui ont lieu durant ce processus. Nous analysons en particulier sur les protéines LEAFY et ARF. Le développement de la fleur est utilisé comme un système modèle permettant de répondre aux questions générales telles que l'interaction entre les facteurs de transcription (TF) et les protéines de remodelage de la chromatine, la modélisation de la reconnaissance de séquences spécifiques d'ADN par les TF ou l'évolution des réseaux de régulation. »

Notre équipe se trouve sur le campus '[Giant](#)' de Grenoble, une zone scientifique très dynamique consacrée à l'électronique, l'énergie et de la biologie. Nous bénéficions de la proximité de grands instruments européens (synchrotron, source de neutrons) et du partenariat pour la biologie structurale ([PSB](#)) qui nous permet d'utiliser les techniques de pointe dans le domaine des études des protéines. »